

2023
ノボジーン感謝祭

シングルセルライブラリー調製が
最大値引きで**529,800円**になる



条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

シングルセル業界の新標準!ステップ毎の明朗会計

【受託サービスフロー】

ライブラリー調製

海外発送

NGS解析(シーケンス)

データQC

シングルセル標準解析

HDDデータ返却

ショートリードでは10x社の公式プロトコルであるイルミナシーケンサーを採用



	サービス名	備考	キャンペーン 価格(税別)
ライブラリー調整	10xライブラリー調製 1~3サンプルの場合	分散処理細胞のシングルセル化と10x Chromium single cell 3'ライブラリー調製	548,000円
	10xライブラリー調製 4サンプル以上		529,800円
シーケンス	ONTロングリード解析	PromethION 1Cell	298,000円
	NovaSeq X Plus解析 (NovaSeq 6000も利用可能)	1Gb単価(150PE・3.3M) (1細胞毎に5万リード推奨) (NovaSeq 6000の場合は1,200円)	1,000円
データQC・解析	Cell Ranger等、QC解析	シングルセル解析QCレポート	10,000円
	シングルセル標準解析	クラスター解析、エンリッチメント解析等の標準解析レポート	30,000円
オプション	オンサイト実験サービス (出張費用・技術料)	東京からの距離に応じた費用のご負担(東京・神奈川・千葉・埼玉と凍結サンプル発送の場合は無償)(レンタカーなど追加費用発生時は別途実費請求)	北海道・九州・沖縄:88,900円 中四国:66,700円 東北・近畿:44,500円 関東・中部:22,300円
その他の雑費:上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用(税別3,000円)と1Tb分HDDデータ返却費用(税別10,000円)が生じます			

解析例1:イルミナNovaSeqで4,000細胞を4サンプル分シーケンスまで解析する場合(東京)

10xライブラリー(498,000円) + イルミナ60Gb(60,000円) + オンサイト実験サービス(東京の場合は無償) + その他雑費(13,000円)の時、サンプル単価は**602,800円**(表記は税別です)。

解析例2:イルミナNovaSeqで8,000細胞を1サンプル分Cell Rangerまで解析の場合(東京)

10xライブラリー(548,000円) + イルミナ120Gb(120,000円) + Cell Ranger解析(10,000円) + オンサイト実験サービス(東京の場合は無償) + その他雑費(13,000円)の時、サンプル単価は**691,000円**(表記は税別です)。



ノボジーン公式サイト

ノボジーン株式会社

jp.novogene.com amea-jk-sales@novogene.com
 NovogeneALT NovogeneAMEA NovogeneJapan
 〒103-0025
 東京都中央区日本橋茅場町2-7-10茅場町第3長岡ビル7階

販売代理店

2023
ノボジーン感謝祭

シングルセル&ロングリード 受託解析サービスキャンペーン

条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

シングルセル受託解析は、
ついにロングリード時代へ突入

10x GENOMICS

Oxford
NANOPORE
Technologies



日本市場初登場!

シングルセル化からロング
リード・1サンプルの費用^{※1}

899,000円^{税別}

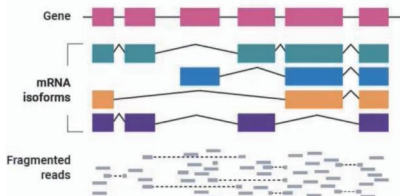
お手元の10x cDNAをつかって
ロングリード解析^{※2}

298,000円^{税別}

※1) データQC、標準解析、雑費等を含めたトータルコスト(オンサイトサービス除く)。

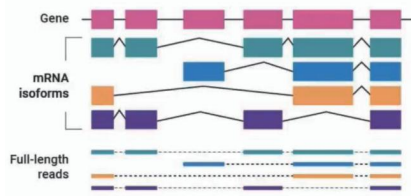
※2) シングルセル用ONTサービス単体価格。

なぜロングリードが必要なのか?



Short read single cell RNA-Seq

- ▶ 3' to 5' short reads
- ▶ Gene expression information only
- ▶ Unable to analyze the differences in the isoform between cells



Long read single cell RNA-Seq

- ▶ Full-length long reads
- ▶ Get the full-length information of mRNA
- ▶ Analyze different mRNA isoform, alternative splicing, fusion genes, etc.

遺伝子発現にはスプライシングバリエーションがあり、mRNAは細胞や組織の役割に応じて異なるアイソフォームの姿で発現しています。これまでのショートリードシーケンスでは、mRNAの全長をシーケンスすることができず、アイソフォームは不明なまま、遺伝子の数をカウントすることしかできませんでした。

これに対してロングリードシーケンスはmRNAの全長をシーケンスすることができ、細胞や組織によって発現が異なるmRNAのアイソフォームの姿を正確に解析することができます。

このことにより、遺伝子発現の異常を研究する疾患・がん研究や、細胞生物学、発生生物学、神経科学等の研究に役立つことが期待されます。

ノボジーンは10xシングルセル解析をお客様のラボに出張して実施できることから、細胞を最高レベルのフレッシュな状態で調整することが可能です。さらに、業界ナンバーワンのリーズナブルプライスでサービスを提供しております。是非ノボジーンに解析をお任せ下さい。

Shi T. et al., "Characterisation of Single Cell full-length transcriptomics in human and mouse samples with short and long read sequencing" Novogene single cell poster, 2023



ノボジーン公式サイト

ノボジーン株式会社

jp.novogene.com amea-jk-sales@novogene.com
 in NovogeneALT f NovogeneAMEA NovogeneJapan
 〒103-0025
 東京都中央区日本橋茅場町2-7-10茅場町第3長岡ビル7階

販売代理店