



**業界最安値の
ノボジェーンのNGS受託解析が
ボリュームディスカウントで
さらにお得!**

プロモーション期間:2023年9月8日サンプル到着分まで

プリメイド・ライブラリーシーケンス

| サービス名 | 備考 | 通常価格(税別) | ボリューム ディスカウント(税別) |
|----------------------|----------------------------------|----------|--------------------------------|
| Novaseq X Plus レーン解析 | データ量:350-375Gb | 371,500円 | 2レーン以上のご注文で 298,000円 |
| NovaSeq 6000 ギガ売り | 5Gb~29Gbのご注文で 1Gb単位の相乗りシーケンス | 2,300円 | 1,800円 |
| NovaSeq 6000 ギガ売り | 30Gb~99Gbのご注文で 1Gb単位の相乗りシーケンス | 1,900円 | 1,600円 |
| NovaSeq 6000 ギガ売り | 100Gb以上のご注文で 1Gb単位の相乗りシーケンス | 1,900円 | 1,300円 |

その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用6,200円(税別)、ライブラリーQC費用2,300円(税別)、データ返却費用(クラウド100GB毎4,300円 あるいは 1T HDD 12,000円等、税別)が生じます。

RNA-Seq解析

| サービス名 | 備考 | 通常価格(税別) | ボリューム ディスカウント(税別) |
|--|-----------------------------------|----------|--------------------------------|
| Eukaryotic directional mRNA library with 20M reads (6Gb) (NovaSeq 6000 platform) | ストランド特異性解析 (イルミナプラットフォーム) | 30,800円 | 4サンプル以上のご注文で 23,800円 |
| Eukaryotic directional mRNA library with 20M reads (6Gb) (DNB-Seq T7 platform) | ストランド特異性解析 (MGIプラットフォーム) | 24,700円 | 4サンプル以上のご注文で 19,800円 |
| RNA-Seq 定量解析 (バイオインフォマティクス) | 基本的な発現解析パッケージ 無償でNovoMagicの利用可 | 6,600円 | 4サンプル以上のご注文で 5,500円 |

その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用6,200円(税別)、データ返却費用(クラウド100GB毎4,300円 あるいは 1T HDD 12,000円等、税別)が生じます。

RNA-Seq解析~データの追加もとってもお得

| サービス名 | 備考 | 通常価格(税別) | ボリューム ディスカウント(税別) |
|-----------------|--------------------------------|----------|-------------------------------|
| 追加シーケンス (1Gb単位) | Illumina NovaSeq 6000 PE150 | 1,500円 | 4サンプル以上のご注文で 1,200円 |

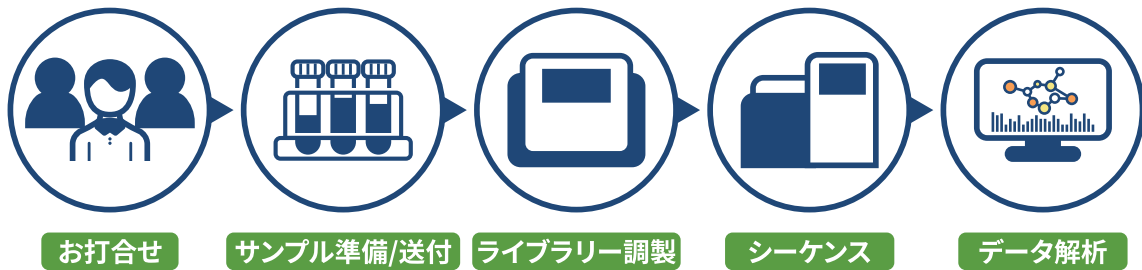
RNA-Seqサービスの詳細

サンプル要件

| サンプルタイプ | サンプル量 | 液量 | 濃度 | 純度 |
|-------------------------|--------------------------|---------|------------|--------------------------------|
| 真核生物 Strand Specific | ≥ 400 ng (≥ 800 ng推奨) | ≥ 20 μL | ≥ 20 ng/μL | OD260/280 ≥ 2.0 分解なし、コンタミなし |
| 真核生物 non Stranded | ≥ 200 ng (≥ 400 ng推奨) | ≥ 20 μL | ≥ 10 ng/μL | |
| 原核生物 Strand Specific | ≥ 2 μg (≥ 4 μg推奨) | ≥ 20 μL | ≥ 50 ng/μL | |

※ BioAnalyzerをお持ちでない場合は、電気泳動にて分解していないことをご確認ください。
※ DNAのコンタミネーションがないよう、お気をつけください。

サービスの流れ



データ解析

遺伝子発現解析に必要な解析が含まれています。Figureはポスター、論文にも用いることができる解像度でお届けいたします。

Distribution of Gene Expression level
Correlation Analysis
Principal Component Analysis
Coexpression Venn Diagram

Differential Gene Expression Analysis
Differential Gene Statics (Volcano plot)
Venn Diagram
Cluster Analysis

GO Enrichment
DO Enrichment
KEGG

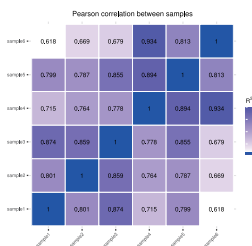


Figure 2.8 Inter-sample correlation heat map
R²: Square of Pearson correlation coefficient(R)

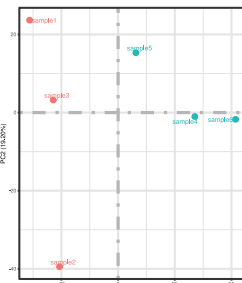
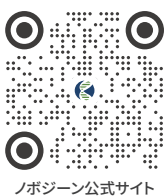
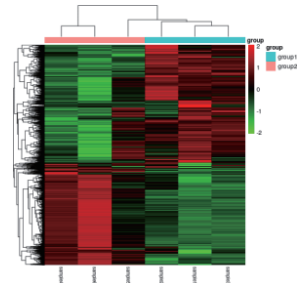
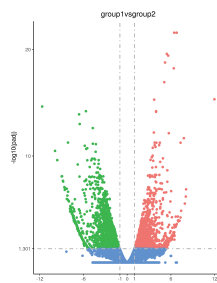


Figure 2.8 Principal component analysis result



ノボジーン株式会社

jp.novogene.com amea-jk-sales@novogene.com
NovogeneALT NovogeneAMEA NovogeneJapan
〒103-0025
東京都中央区日本橋茅場町2-7-10茅場町第3長岡ビル7階

販売代理店



株式会社ASTRIDE
http://www.astride.jp | info@astride.jp